

バイオインフォマティクス相談部会 部会業績

本部会の活動がきっかけになった共同研究や、相談窓口への投稿が元になった成果などをとりまとめています。情報は随時更新されます。

- ・ 蟹江慧, 百瀬賢吾, 加藤竜司, 「動物細胞培養の計測と自動化への取り組み、今後の展望(7章第11節)」実験の自動化・自律化によるR&Dの効率化と運用方法, 381-392, (株)技術情報協会 (2023)
- ・ Uchida, S., and Sugino, T. **In Silico Identification of Genes Associated with Breast Cancer Progression and Prognosis and Novel Therapeutic Targets.** Biomedicines. 10, 2995 (2022)
- ・ Uesaka K., OKa H., Kato R., Kanie K., Kojima T., Tsugawa H., Toda Y., Horinouchi T. **Bioinformatics in bioscience and bioengineering: Recent advances, applications, and perspectives,** J. Biosci. Bioeng. 134, 363-373 (2022) *Society for Biotechnology, Japan 100th Anniversary Special Issue
- ・ Uchida, S., Kojima, T., and Sugino, T. **Frequency and Clinicopathological Characteristics of Patients With KRAS/BRAF Double-Mutant Colorectal Cancer: An In Silico Study** Frequency and Clinicopathological Characteristics of Patients With KRAS/BRAF Double-Mutant Colorectal Cancer: An In Silico Study. Pathol. Oncol. Res. 28, 1610206 (2022)
- ・ Nomura, R., Tsuzuki, S., Kojima, T., Nagasawa, M., Sato, Y., Uefune, M., Baba, Y., Hayashi, T., Nakano, H., Kato, M., and Shimizu, M. **Administration of Aspergillus oryzae suppresses DSS-induced colitis.** Food Chem: Mol. Sci. 4, 100063 (2022)
- ・ Ishikawa, M., Kojima, T., and Hori, K. **Development of a Biocontained Toluene-Degrading Bacterium for Environmental Protection.** Microbiol Spectr. Microbiol Spectr. 9, e0025921 (2021)
- ・ Uchida, S., Kojima, T., and Sugino, T. **Clinicopathological Features, Tumor Mutational Burden, and Tumour-Infiltrating Lymphocyte Interplay in ERBB2-Mutated Breast Cancer: In Silico Analysis.** Pathol. Oncol. Res. 27, 633243 (2021)
- ・ 江崎剛史, 堀之内貴明, 夏目やよい, 野島陽水, 坂根巖, 松井秀俊, 抗菌薬の化学構造と大腸菌の耐性獲得に関する遺伝子発現の相関推定, **CBI学会誌**, 8(4), 37 (2020)
- ・ ○Tsuyoshi Esaki, Takaaki Horinouchi, Yayoi Natsume-Kitatani, Yosui Nojima, Iwao Sakane, Hidetoshi Matsui. Estimation of relationships between chemical substructures and gene expression antibiotic-resistance of bacteria: Adapting canonical correlation analysis for small sample data by gathered features using consensus clustering. **CBI学会2020年大会**, オンライン開催, 2020年10月30日 (口頭)
- ・ Tsuyoshi Esaki, Takaaki Horinouchi, Yayoi Natsume-Kitatani, Yosui Nojima, Iwao Sakane, Hidetoshi Matsui. **Estimation of relationships between chemical substructures and antibiotic resistance-related gene expression in bacteria: Adapting a canonical correlation analysis for small sample data of gathered features using consensus clustering.** Chem-Bio Informatics Journal, 20, 58-61 (2020)
- ・ ○堀之内貴明, 兒島孝明, 蟹江慧. “生物工学会バイオインフォマティクス相談部会における取り組み”, 質量分析インフォマティクス研究会・第5回ワークショップ 質量分析とデータ科学で生命に迫る, オンライン開催, 8月7日, 2020年 (口頭)

・名古屋大学大学院 生命農学研究科 分子生物工学研究室, 名城大学大学院 農学研究科 応用微生物学研究室, 石川県立大学 生物資源研 環境生物工学研究室:醸造微生物、麹菌のもつ食品機能：腸内細菌叢改善と大腸炎緩和作用. 名古屋大学予防早期医療創成センター第9回ワークショップ, 令和2年1月 名古屋

・蟹江慧、玉田正樹、池田友里圭、佐々木寛人、外川文雄、加藤竜司:細胞培養作業の数量的記述および理解のためのデータ解析. 2019年度生物工学若手研究者の集い（若手会）夏のセミナー, 令和元年7月 高島

・ Ohtsuka, H., Kato, T., Sato, T., Shimasaki, T., Kojima, T., and Aiba, H. [Leucine depletion extends the lifespans of leucine-auxotrophic fission yeast by inducing Ecl1 family genes via the transcription factor Fil1.](#) Mol. Genet. Genomics. 294, 1499–1509 (2019)

お問合せ先

産業技術総合研究所 人工知能研究センター
堀之内 貴明 問い合わせ先：(1)[E-mail](#), (2)[E-mail](#)

[⇒バイオインフォマティクス相談部会Topへ](#)